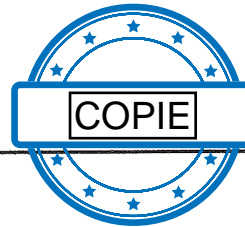
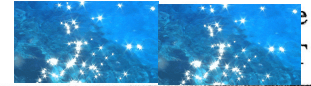


**Certificat d'Analyse(s)**



Propriétaire : FAIVRE Sabine  
Elevage : 39366  
Demandeur : FAIVRE Sabine  
Organisation :  
Préleveur : FAIVRE Elodie (30944)

FAIVRE Sabine  
Chatterie du Haut Jura



Date de prélèvement : 29/04/2025

Date de réception : 06/05/2025

Nombre de prélèvements : 3

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : SRL - Selkirk Rex P.L.

Date de naissance : 23/02/2025

Sexe : Femelle

**Polykystose rénale (PKD)**

Date d'exécution : 09/05/2025

| Identification  | Autres informations | Résultat     |
|---|---------------------|--------------|
| 1 Code ADN : FC83567<br>Nom : ABIGAELE DU HAUT JURA<br>Puce : 250268502395012 |                     | NORMAL (+/+) |

La présence de la mutation c.10063C>A présente sur le gène PKD1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la polykystose rénale (PKD) chez de nombreuses races de chats, incluant : Persans, Exotics, British shorthair et longhair, Burmillas, Scottish fold, Highland fold, Selkirk, Ragdoll, et races apparentées. Le laboratoire décline toute responsabilité quant à l'interprétation d'un résultat de cette analyse réalisée sur une autre race que celles listées ci-dessus.

Pour des raisons de pertinence, ne seront mentionnés sur les pedigrees que les résultats des pathologies répertoriées pour la race telles qu'elles ont été validées par le conseil scientifique du LOOF. Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

Les tests génétiques mis en oeuvre conformément aux données acquises de la science identifient uniquement la mutation connue, d'autres anomalies génétiques impliquées dans l'expression de la maladie n'étant pas exclues.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint



Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

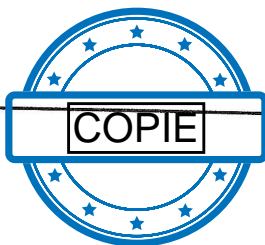
Fait à Loudéac, le 12/05/2025

Olivier Yvernogean

Technicien service Biologie Moléculaire

**Certificat d'Analyse(s)**

**Propriétaire :** FAIVRE Sabine  
**Elevage :** 39366  
**Demandeur :** FAIVRE Sabine  
**Organisation :**  
**Préleveur :** FAIVRE Elodie (30944)



**FAIVRE Sabine**



**Date de prélèvement :** 29/04/2025

**Date de réception :** 06/05/2025

**Nombre de prélèvements :** 4

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

**Race :** SRL - Selkirk Rex P.L.

**Date de naissance :** 23/02/2025

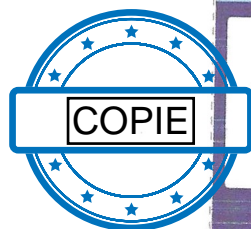
**Sexe :** Femelle

**Identification génétique par ADN**

**Date d'exécution :** 09/05/2025

| Identification : ABIGAE DU HAUT JURA/250268502395012 - Code ADN : FC83567 |         |         |         |         |         |         |         |         |         |
|---|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|---------|
| FCA026  | FCA069  | FCA075  | FCA105  | FCA149  | FCA201  | FCA220  | FCA229  | FCA293  | FCA310  |
| 148/152   | 109/109 | 134/136 | 189/197 | 132/132 | 143/157 | 208/212 | 162/168 | 185/187 | 128/136 |
| FCA441  | FCA453  | FCA649  | FCA678  | ZSRY    |         |         |         |         |         |
| 163/163   | 196/196 | 126/136 | 190/198 | X/X     |         |         |         |         |         |

L'identification génétique est réalisée par PCR (méthode ANAACR05) à l'aide de 15 marqueurs microsatellites, indiqués dans le tableau de résultats ci-dessus, validés scientifiquement au niveau international par l'ISAG (International Society for Animal Genetics). Ce panel de marqueurs répond à la version ISAG 2014. Pour chaque marqueur, l'animal possède deux allèles symbolisés par des nombres. Une identification génétique ne peut être considérée comme valide et ne peut être transmise que si le nombre de marqueurs microsatellites génotypés est égal à un minimum de 9 marqueurs dont 8 du core panel.



**Carte d'identité génétique / Genetic identity card**

Code ADN : FC83567

Nom : ABIGAE DU HAUT JURA

Identification : 250268502395012

Race : SRL:Selkirk Rex P.L.

Sexe : Femelle

Date de naissance : 23/02/2025

**Genindexe**  
La génétique à votre service

|        |         |        |         |        |         |        |         |
|--------|---------|--------|---------|--------|---------|--------|---------|
| FCA026 | 148/152 | FCA069 | 109/109 | FCA075 | 134/136 | FCA105 | 189/197 |
| FCA149 | 132/132 | FCA201 | 143/157 | FCA220 | 208/212 | FCA229 | 162/168 |
| FCA293 | 185/187 | FCA310 | 128/136 | FCA441 | 163/163 | FCA453 | 196/196 |
| FCA649 | 126/136 | FCA678 | 190/198 | ZSRY   | X/X     |        |         |

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 13/05/2025**

Olivier Yvernogean  
Technicien service Biologie Moléculaire



## Certificat d'Analyse(s)

**Propriétaire :** FAIVRE Sabine  
**Elevage :** 39366  
**Demandeur :** FAIVRE Sabine  
**Organisation :**  
**Préleveur :** FAIVRE Elodie (30944)



**FAIVRE Sabine**



**Date de prélèvement :** 29/04/2025

**Date de réception :** 06/05/2025

**Nombre de prélèvements :** 6

**Nature des prélèvements :** Buccal (brossette)

**Espèce :** CHAT

### Filiation - contrôle de parenté

**Date d'exécution :** 13/05/2025

#### Mère(s) présumée(s)

#### Compatibilité(s)

**FC75808** USHY DU HAUT JURA 250268502305003 - né(e)  
 le 27/12/2023  
 Race : SEL:Selkirk Straight P.L.

...

#### Père(s) présumé(s)

#### Compatibilité(s)

**FC69295** ULYS DU HAUT JURA 250268502241572 - né(e)  
 le 03/07/2023  
 Race : Selkirk Rex

...

#### Produit(s)

#### Compatibilité(s)

|                |   |   |
|----------------|---|---|
| <b>FC83567</b> | ABIGAE DU HAUT JURA 250268502395012 -<br>Femelle - né(e) le 23/02/2025<br>Race : SRL:Selkirk Rex P.L. | <b>Compatible avec le(s) parent(s) FC75808,<br/>FC69295</b> |
| <b>FC83568</b> | ASTERIX DU HAUT JURA 250268502395081 -<br>Mâle - né(e) le 23/02/2025<br>Race : SRL:Selkirk Rex P.L.   | <b>Compatible avec le(s) parent(s) FC75808,<br/>FC69295</b> |
| <b>FC83569</b> | ARLO DU HAUT JURA 250268502394994 - Mâle<br>- né(e) le 23/02/2025<br>Race : SRL:Selkirk Rex P.L.      | <b>Compatible avec le(s) parent(s) FC75808,<br/>FC69295</b> |
| <b>FC83570</b> | ASTONE DU HAUT JURA 250268502395092 -<br>Mâle - né(e) le 23/02/2025<br>Race : SRL:Selkirk Rex P.L.    | <b>Compatible avec le(s) parent(s) FC75808,<br/>FC69295</b> |

Règles d'interprétation (protocole de coopération LOOF-GENINDEXE/ méthode interne ANAOCR 05):

- Une filiation ne peut être interprétée que lorsque le nombre de marqueurs microsatellites génotypés communs entre le descendant et ses parents est au minimum égal à 8 du core panel.
- Une filiation est incompatible lorsqu'au moins deux marqueurs ne respectent pas les lois de la transmission héréditaire. Première loi : un produit doit avoir reçu un allèle de chacun de ses deux parents. Deuxième loi : un parent doit avoir transmis l'un de ses deux allèles à son produit.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
 La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé  
 photographique intégral.

**Fait à Loudéac, le 13/05/2025**

Olivier Yvernogean  
 Technicien service Biologie Moléculaire



## Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : FAIVRE Sabine  
Elevage : 39366  
Demandeur : FAIVRE Sabine  
Organisation :  
Préleveur : FAIVRE Elodie (30944)

FAIVRE Sabine



Date de prélèvement : 29/04/2025  
Nombre de prélèvements : 3  
Espèce : CHAT  
Date de naissance : 23/02/2025

Date de réception : 06/05/2025  
Nature des prélèvements : Buccal (brossette)  
Race : SRL - Selkirk Rex P.L.  
Sexe : Femelle

### GS ADN

Date d'exécution : 13/05/2025

| Identification   | Autres informations | Résultat |
|--|---------------------|----------|
| 1 Code ADN : FC83567<br>Nom : ABIGAEL DU HAUT JURA<br>Puce : 250268502395012 | COPIE               | nonb/b   |
| 1 Code ADN : FC83567<br>Nom : ABIGAEL DU HAUT JURA<br>Puce : 250268502395012 |                     | nonb/b   |

GS ADN ou Groupe Sanguin par ADN. Mutation recherchée : Insertion 18 pb / Del 53 (5'UTR) d'après Gandolfi et al. Plos One 2016  
Résultat nonb/nonb : aucun allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat nonb/b : 1 allèle b détecté = groupe sanguin A ou AB. Résultat b/b : 2 allèles b détectés = groupe sanguin B.  
Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.  
Le test réalisé ne concerne que la mutation recherchée. D'autres mutations du CMAH existent. Le résultat obtenu par ce test ne présage pas des autres résultats pouvant être obtenus sur les autres mutations.

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.  
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 13/05/2025

Olivier Yvernogean  
Technicien service Biologie Moléculaire